



*Bacterial genomes lacking long-range correlations may not be modeled by low-order Markov chains: The role of mixing statistics and frame shift of neighboring genes (Ficha Bibliográfica del Artículo)*

*Autores:* Cocho, Germinal; Miramontes, Pedro; Mansilla Corona, Ricardo Lino y Li, Wentian

*Revista:* Computational Biology and Chemistry

*Volumen:* 53

*Año de publicación:* 2014

*Página inicial:* 15

*Página final:* 25

*Formato:* Impreso

*Texto completo:* Servidor Otros